

Enquête mondiale sur la fréquence de la résistance aux antibiotiques au niveau de certaines bactéries pathogènes entériques: *Salmonella* Typhi et *S. Paratyphi*, *Shigella* et *Escherichia coli* producteurs de Shiga-toxines (STEC)

Selon l'OMS, *Salmonella enterica* serovars Typhi (fièvre typhoïde) and Paratyphi A, B or C (fièvre para-typhoïde) infectent plus de 27 millions de personnes à travers le monde chaque année, entraînant des taux élevés de mortalité et morbidité (plus de 200.000 morts par an). La shigellose est également endémique dans plusieurs régions du monde et est responsable de quelques 120 millions de cas de dysenteries sévères. On estime à 1,1 million le nombre de décès annuels dus à une infection par *Shigella*; 60% de ces décès surviennent chez des enfants en dessous de 5 ans. Enfin, plus de 200 sérotypes de *E. coli* sont répertoriés comme produisant des Shiga-toxines (Stx) et plus de 50 parmi eux sont associés à des diarrhées sanglantes (colites hémorragiques) ou au syndrome hémolytique et urémique (HUS) chez l'homme: Les sérotypes STEC les plus couramment isolés sont: O26, O111, and O103, and plus spécialement O157:H7. *E. coli* O157:H7 est le sérotype le plus fréquemment associé au syndrome hémolytique et urémique à travers le monde, il est également le sérotype de STEC le plus souvent associé à des poussées épidémiques et le plus communément associé à des infections gastro-intestinales chez l'homme.

Ces maladies infectieuses sont essentiellement transmises d'homme à homme par la voie orale après ingestion d'aliments d'eau ayant subi une contamination fécale, ou par contact direct, elles sont généralement rencontrées dans les pays en voie de développement où les conditions d'hygiène sont mauvaises.

Compte tenu de l'importance de ces maladies au niveau mondial et plus particulièrement de l'impact que l'émergence des bactéries entériques multi-résistantes a au niveau des structures de prise en charge des maladies infectieuses, il serait souhaitable d'avoir une meilleure compréhension de leur épidémiologie (fréquence, prévalence, persistance, etc...)

Nous encourageons par conséquent tous les scientifiques à prendre part à cette enquête mondiale en nous communiquant **un résumé des données annuels** sur la **résistance aux antibiotiques** des souches de *S. Typhi* et *S. Paratyphi A, B* et *C* (à l'exception de *S. Paratyphi B* serovar **Java**), **STEC** et *Shigella* isolées dans leur pays **de 2003 à 2007**. Les données recueillies lors de cette enquête permettront d'attirer l'attention sur le problème, d'initier des programmes pour la prévention et le contrôle de ces maladies graves et de prendre des mesures pour minimiser le niveau de résistance aux antibiotiques.

Vous trouverez attachés à ce courrier électronique deux dossiers MS Excel pour la collection de données épidémiologiques. Nous vous prions de bien vouloir les compléter avant le **30 septembre** et les renvoyer à entericpathogens@food.dtu.dk

Lourdes Garcia Migura, Rene Hendriksen and Susanne Karlsmose
Danish Technical University, National Food Institute
Bülowsvej 27
1790 Copenhagen V
Denmark

Protocole:

Vous trouverez attachés à ce courrier électronique deux dossiers MS Excel. Le premier renferme une compilation de données sur *S. Typhi* et *S. Paratyphi* et le second une compilation de données sur *E.coli* producteurs de Shiga-toxines (STEC pour Shiga-toxin producing *E.coli*) et *Shigella*.

Chaque dossier Excel contient 5 fichiers, un fichier par année de 2003 à 2007. Nous vous invitons à compléter les 5 fichiers avec les données de votre pays. S'il vous manque des données, laissez les cases vides. Nous avons également ajouté des cases pour recueillir, au cas où vous les auriez, des informations complémentaires comme par exemple le pourcentage de femmes affectées, l'âge médian des personnes affectés et les variations saisonnières. En ce qui concerne les variations saisonnières, merci de nous indiquer le pourcentage de cas isolés durant les différentes saisons.

. Nous avons aussi prévu une case "commentaires" dans le premier fichier de chaque dossier MS Excel au cas où vous auriez des commentaires à inclure.

Si vous ne souhaitez pas participer à cette étude, répondez, s'il vous plaît, à ce message en mettant comme sujet du message "ne souhaite pas participer"

.Nous comptons beaucoup sur votre collaboration et espérons que cette étude va contribuer à minimiser l'émergence et la dissémination des bactéries entériques multi-résistantes .